



**AVVISO DI CONSULTAZIONE PRELIMINARE DI MERCATO
(ART. 66 D. LGS. 50/2016 E S.M.I.)**

CONSULTAZIONE PRELIMINARE DI MERCATO FINALIZZATA ALLA ACQUISIZIONE DI UN SISTEMA DI SEQUENZIAMENTO PER L'ANALISI DEL GENOMA, AUTORIZZATA CON DELIBERA DEL C.D.A DEL 28.04.2022 – REP. 225/2022, DA ESEGUIRSI NELL'AMBITO DEL PROGETTO “DISTURBO DI SPETTRO AUTISTICO: RICERCA DI BIOMARCATORI PER PERSONALIZZARE LE TERAPIE ESISTENTI E SVILUPPO DI NUOVE TERAPIE FARMACOLOGICHE E RIABILITATIVE” – CONVENZIONE N. CCR-2017-9999901 – CUP J44I19001040001”.

Il presente avviso è finalizzato ad un'indagine di mercato preordinata a conoscere l'assetto del mercato di riferimento, i potenziali concorrenti, gli operatori interessati, le soluzioni tecniche disponibili, al fine di verificarne la rispondenza alle esigenze progettuali.

L'Università degli Studi di Messina intende instaurare una consultazione preliminare di mercato finalizzata ad acquisire informazioni circa l'esistenza di eventuali Operatori in grado di eseguire la fornitura e l'installazione di un:

- Sistema di sequenziamento per l'analisi del genoma avente le seguenti caratteristiche:

- 1) Tecnica di sequenziamento “Sequencing by Synthesis”. Il Sistema utilizza terminatori reversibili che vengono aggiunti ciclo per ciclo, rendendo il sistema esente da sensibilità di tipo strutturale, come ad esempio regioni omopolimeriche. L'aggiunta delle basi e la relativa detection avviene dunque base per base, e il segnale di detection risulta essere relativo a ciascuna singola base aggiunta di volta in volta, ciclo per ciclo.
- 2) Sistema “desktop” in grado di attuare sulla stessa piattaforma sequenziamento massivo parallelo (MPS o NGS) e (2) scansione di “BeadChip array” ad elevata densità per citogenetica e karyomapping.
- 3) Produttività: da un minimo di 16 Gb fino a un massimo di 120 Gb per corsa.
- 4) Numero di sequenze per singola corsa (reads): generazione di minimo 130 milioni fino ad un massimo di 400 milioni di reads in Single End, oppure minimo 260 e massimo 800 milioni di reads in Paired End.
- 5) Massima lunghezza di sequenziamento supportata in Paired End: 2x150 bp.
- 6) Amplificazione clonale (di tipo Cluster Amplification/Bridge Amplification) completamente automatizzata e inclusa all'interno dello strumento. Il passaggio da amplificazione clonale a sequenziamento è anch'esso automatizzato. Nessun intervento manuale da parte dell'operatore è richiesto tra la generazione della prima e della seconda “lettura o sequenza”.
- 7) Possibilità di settare a priori la lunghezza delle letture che verranno generate, impostando semplicemente il software di gestione della corsa con il numero di cicli desiderati.
- 8) Analisi primaria e secondaria del dato eseguita automaticamente ed autonomamente dallo strumento, senza alcun intervento manuale e senza alcun obbligo di esportazione dei dati grezzi.
- 9) Tutti i reagenti sono pronti all'uso e tracciati con sistema RFID.
- 10) Scansione automatica del “BeadChip array” (n. 1 vetrino per scansione, circa 40 minuti).
- 11) Generazione automatica del file immagine per la lettura del vetrino con software dedicato (fino a 12 campioni per vetrino).
- 12) Assenza di GAS associati allo strumento: non è richiesto l'utilizzo di alcun gas per il funzionamento.
- 13) Sistema di interfaccia grafica tipo Touch Screen.

Esigenze: *Il sistema in oggetto dovrà consentire l'analisi di tutto il genoma del paziente in una sola seduta sperimentale, nonché l'analisi degli "exomes" la parte codificante del suddetto genoma, sempre in unica seduta. Ulteriormente dovrà essere consentita la possibilità di confrontare gruppi di pazienti tra di loro, nella stessa seduta sperimentale.*

Tale metodo di analisi si traduce nella possibilità di fornire dati robusti e risultati validi sia per la diagnosi, che per potenziali target terapeutici.

Possono presentare manifestazione di interesse a partecipare alla presente consultazione tutti i soggetti di cui all'art. 45 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.

I soggetti interessati a partecipare alla presente consultazione:

- Non devono trovarsi nelle situazioni previste dall'art. 80, commi 1, 2, 4 e 5 del D. Lgs. 50/2016;

- Devono possedere i requisiti di idoneità professionale di cui all'art. 83, comma 3 del D. Lgs. 50/2016.

Gli operatori economici del mercato che ritengano di poter fornire quanto necessario al raggiungimento delle caratteristiche tecniche del sistema richiesto ovvero di suggerire e dimostrare la praticabilità di soluzioni alternative, dovranno far pervenire:

1) la propria dichiarazione sostitutiva, rilasciata ai sensi del D.P.R. 445/2000, sottoscritta digitalmente dal legale rappresentante, attestante la manifestazione di interesse a partecipare alla presente consultazione e il possesso dei requisiti di ammissione di cui sopra, completa di dati anagrafici, indirizzo, numero di telefono, PEC, codice fiscale/partita IVA (all. 1)

2) una descrizione sintetica della fattibilità dell'aggiornamento, dal quale si evinca il possesso delle specifiche tecniche richieste o l'equivalenza o miglioria rispetto alle stesse, unitamente alle schede tecniche delle apparecchiature proposte.

La proposta di fattibilità, che non costituisce offerta tecnica, dovrà pervenire **entro e non oltre 20 giorni dalla pubblicazione del presente avviso** all'indirizzo PEC protocollo@pec.unime.it. La PEC dovrà riportare in oggetto la seguente dicitura: *"Consultazione Preliminare di mercato finalizzata acquisizione di un Sistema di sequenziamento per l'analisi del genoma"*.

L'invio della proposta di fattibilità, corredata dalla descrizione e/o dalle schede tecniche dovrà avvenire in unica spedizione, allegando uno o più documenti informatici in formato statico non modificabile (preferibilmente PDF).

Sulla base di quanto sopra rappresentato, il richiedente per la fornitura del Sistema di sequenziamento per l'analisi del genoma ha individuato:

- Ditta: Illumina Inc. (Sistema Illumina NextSeq 550)

- Valore presunto della fornitura: € 295.901,00 oltre IVA.

In esito alla ricezione delle eventuali proposte di fattibilità verrà individuata la migliore soluzione tecnica per la fornitura del Sistema di sequenziamento richiesto.

L'Università degli Studi di Messina procederà all'acquisizione di quanto necessario alla fornitura in oggetto con apposita procedura espletata nel rispetto delle prescrizioni del D.Lgs. n. 50/2016, anche mediante procedura negoziata senza previa pubblicazione del bando.

La partecipazione a detta consultazione non determina aspettative né diritto alcuno e non rappresenta invito a proporre offerta, né impegna a nessun titolo l'Università degli Studi di Messina nei confronti degli Operatori economici interessati.

L'Università degli Studi di Messina può interrompere, sospendere o revocare la consultazione preliminare di mercato, nonché interrompere la consultazione di uno, o più Operatori economici, in qualsiasi momento, senza incorrere in alcun tipo di responsabilità.

La partecipazione alla consultazione preliminare non dà diritto ad alcun compenso e/o rimborso.

I dati trasmessi saranno trattati nel rispetto della normativa vigente, secondo quanto disciplinato dal GDPR 2016/679 e dal D. Lgs. 101/2018.

Allegati:

All. 1: Dichiarazione sostitutiva ex D.P.R. n. 445, dei requisiti di partecipazione e assenza dei motivi di esclusione di cui all'80 del D.Lgs. n. 50/2016.

IL DIRETTORE GENERALE
Avv. Francesco Bonanno
firmato digitalmente

Avv. Antonella Maisano
P.zza Antonello (Palazzo Mariani)
98122 Messina

T +39 090 676 8275
amaisano@unime.it
www.unime.it

P.IVA 00724160833
Cod. Fiscale 80004070837